

apophasis / December 15, 2012 10:39PM

[\[學術活動\] 2012國際基因體資訊學研討會 12日在成大召開](#)

[學術活動] 2012國際基因體資訊學研討會 12日在成大召開 ( [英文版](#) )

《成大即時新聞》( 2012/12/14 ) 全世界基因體資訊領域最具歷史的基因體資訊學研討會首度移師臺灣舉辦第二十三屆會議 ( The 23rd International Conference on Genome Informatics ; GIW2012 ) , 成功大學膺重任 , 從12月12日起一連三天全世界最重要的基因體資訊學、涵蓋醫學、工程、資訊和生命科學等領域的學者一百多位齊聚成大國際會議廳 , 進行一場跨世紀的學術交流和研究心得分享 , 為人類揭開基因之謎。

12日上午開幕儀式 , 由電機資訊學院院長曾永華代表歡迎享譽國際的中央研究院李文雄院士、日本大阪大學的Hideo Matsuda教授、美國系統生物研究院 ( Institute for Systems Biology ) 的Ilya Shmulevich教授 , 以及數十位世界級的學者在成大進行學術交流與分享研究成果 , 為人類的健康福祉貢獻心力 , 曾永華院長也建議大家可以在研討會之餘 , 走訪臺南市這個美麗的歷史古都 , 留下美好的記憶。

大會主席資訊系及醫學資訊所蔣榮先教授表示 , 基因體資訊學研討會是全世界基因體資訊領域所舉辦最有歷史的會議 , 今年非常榮幸首度在臺灣舉辦 , 並且在成功大學舉行 , 有來自臺灣、日本、中國大陸、新加坡、韓國、美國、加拿大、德國、澳大利亞、拉脫維亞等10國家計150位專學者與會。其目的是讓各國學者提出理論和實踐研究的最新成果、發表實用的應用軟體與系統、並分享與討論今後的研究方向 , 提供各國專家學者相互交流研究 , 意義深遠。

蔣榮先教授表示 , 今年的研討會主軸是癌症基因研究 , 結合醫學和資訊學者 , 將利用電腦快速運算和分析能力揭開基因之謎 , 並且用以協助人類癌症的治療。

會中 , 將陸續發表114篇論文 , 其中有48篇論文分場演說 , 以及66篇壁報論文展示 ; 並有三場重要的專題演講 , 包括中央研究院李文雄院士主講「蛋白質結構 , 功能和分類 ( Protein Structure, Function and Classification ) 」 ; 日本大阪大學的Hideo Matsuda教授主講「大型高性能計算機的脂肪細胞分化的基因調控網絡的分析 ( Large-Scale Gene Regulatory Network Analysis for Adipocyte Differentiation on High-Performance Computer ) 」 ; 以及美國系統生物研究院的Ilya Shmulevich教授主講「從癌症基因體圖譜數據綜合分析探討 ( Integrative Analysis and Interactive Exploration of Data from The Cancer Genome Atlas ) 」。

資訊來源 :

[成大即時新聞 2012/12/14](#)

-----  
[National Science Council International Cooperation Sci-Tech Newsbrief](#)  
-----

---